

Βιογραφικό Σημείωμα

Προσωπικά Δεδομένα

Όνομα: Γεώργιος Γεωργακίλας
Διεύθυνση: Αργυρούπολη, Αττική, Ελλάδα
Τηλέφωνο:
E-Mail: georgaki@fleming.gr
Ημερομηνία Γεννήσεως: 20/08/1984

Ενδιαφέροντα

Υπολογιστές, αλγόριθμοι, μηχανική μάθηση, υπολογιστική βιολογία, μοριακή βιολογία, βιοτεχνολογία.

Εκπαίδευση

7/2009 Αποφοίτηση από το Τμήμα Μηχανικών Η/Υ και Πληροφορικής (Πανεπιστήμιο Πατρών), Ελλάδα.

12/2011 Πρόγραμμα Μεταπτυχιακών Σπουδών "Τεχνολογίες Πληροφορικής στην Ιατρική και τη Βιολογία" (Πανεπιστήμιο Αθηνών, Τμήμα Πληροφορικής και Τηλεπικοινωνιών)

Εργασιακή Εμπειρία

Πανεπιστήμιο Πατρών, Τμήμα Μηχανικών Η/Υ και Πληροφορικής, Ερευνητική Εργασία 2004-2005

Κατά τη διάρκεια του ακαδημαϊκού έτους 2004-2005 συμμετείχα σε ερευνητική ομάδα του ΙΤΥ όπου πήραμε μέρος στην ανάπτυξη ηλεκτρονικής διεπαφής για help-desk για λογαριασμό της ΕΔΕΤ. Για αυτή την υλοποίηση χρησιμοποιήθηκε php και sql.

Πανεπιστήμιο Πατρών, Τμήμα Μηχανικών Η/Υ και Πληροφορικής, Διπλωματική Εργασία

Στόχος της διπλωματικής εργασίας ήταν η σχεδίαση και ανάπτυξη συγκεκριμένων αλγορίθμων δρομολόγησης οι οποίοι θα ήταν υπεύθυνοι για την κίνηση και τον διαμοιρασμό

διεργασιών πάνω από δίκτυα πλέγματος. Οι αλγόριθμοι αυτοί σχεδιάστηκαν ειδικά για ανοχή σε σφάλματα.

ΠΒΕΑΑ, Ερευνητική Εργασία, Φεβρουάριος-Απρίλιος 2006

Συνεργασία με ερευνητική ομάδα του ΠΒΕΑΑ με στόχο την ανάλυση ακολουθιών DNA του οργανισμού της δροσόφιλας.

ΗΜΣ, Τεχνολογίες Πληροφορικής στην Ιατρική και τη Βιολογία, Διπλωματική Εργασία

Κύριος στόχος της διπλωματικής εργασίας ήταν η ανάπτυξη αλγορίθμου που θα προέβλεπε τη θέση έναρξης μεταγραφής μικρόRNA γονιδίων με χρήση δεδομένων γονοτύπησης νέας γενιάς. Ο κυρίως αλγόριθμος χρησιμοποιήθηκε για την εξαγωγή σημαντικών χαρακτηριστικών που σχετίζονται με την θέση έναρξης μεταγραφής γνωστών γονιδίων, τα οποία αξιοποιήθηκαν για την εκπαίδευση ενός αλγορίθμου μηχανικής μάθησης (SVM). Το μοντέλο αυτό, εφαρμόστηκε σε περιοχές DNA που σχετίζονται με τα μικράRNA ώστε να ανακαλυφθούν πιθανές θέσεις έναρξης μεταγραφής τους.

Ε.ΚΕ.Β.Ε. Αλ. Φλέμινγκ, Ιούλιος 2010 έως σήμερα

Είμαι μέλος της ομάδας της Καθηγήτριας Άρτεμις Χατζηγεωργίου (Diana Lab), στο ερευνητικό Κέντρο Αλέξανδρος Φλέμινγκ, εδώ και σχεδόν ένα και μισό χρόνια. Κατά το διάστημα αυτό, έχω δουλέψει αρκετά πάνω σε ερευνητικά θέματα αιχμής τα οποία σχετίζονται κατά κύριο λόγο με τα μικράRNA και το ρόλο τους στη ρύθμιση της γονιδιακής έκφρασης και της κυτταρικής ομοιόστασης.

Ξένες Γλώσσες

Αγγλικά: Εξαιρετικά

Ιταλικά: Βασικά

Ικανότητες Πληροφορικής

Βιοπληροφορική

Ισχυρό υπόβαθρο σε Βιολογία/Βιοτεχνολογία, Μηχανική Μάθηση, Υπολογιστική Γεωμετρία, Σχεδίαση Ταξινομητών, Στοίχιση Ακολουθιών, Αλγοριθμική Ανάπτυξη, Επεξεργασία και Ανάλυση Εικόνας.

Γλώσσες Προγραμματισμού

C, SQL, Matlab, Perl, R, C++, HTML, PHP, Assembly

Λοιπές

Εκτενής εμπειρία στη χρήση Linux/Unix και Windows.

Ασκολίες

Ανάπτυξη εφαρμογών ιστού.

Δημοσιεύσεις

Vergoulis, T. I. Vlachos, P. Alexiou, **G. Georgakilas**, M. Maragkakis, M. Reczko, S. Gerangelos, N. Koziris, T. Dalamagas, AG Hatzigeorgiou; *Tarbase 6.0: Capturing the Exponential Growth of miRNA Targets with Experimental Support* NAR (Database issue 2012 – Impact Factor 7.5)

Ioannis S Vlachos, Nikos Kostoulas, Thanasis Vergoulis, **Georgios Georgakilas**, Martin Reczko, Manolis Maragkakis, Maria D Paraskevopoulou, Kostantinos Prionidis, Theodore M Dalamagas and Artemis G Hatzigeorgiou; *DIANA miRPath v.2.0: Investigating the Combinatorial Effect of microRNAs in Pathways* NAR (Impact Factor 7.5)